

## Taq DNA Polymerase

浓度: 2.5 U/μl

| 产品规格     | Taq DNA polymerase | 10×Taq Buffer |
|----------|--------------------|---------------|
| PT101-02 | 500 U              | 1 ml          |
| PT101-04 | 2,500U             | 1 ml×5        |

### ● 储存条件

Taq DNA Polymerase: -20°C长期保存。

10×Taq Buffer: 室温保存3个月, -20°C长期保存; 长期储存可能会析出不溶物, 37-70°C加热溶解混合均匀后使用。

上海莱枫生物科技有限公司

www.lifefeng.com

电话: 021-64810180 传真: 021-54252754

技术支持: 13817902990(上海)

### ● 产品简介

Taq DNA Polymerase是从含*Thermus aquaticus* DNA Polymerase基因的重组E.coli菌株中分离纯化的热稳定蛋白, 分子量约94 KD。具有5'→3'聚合酶活性和双链DNA特异性的5'→3'外切酶活性, 无3'→5'外切酶活性。

常规PCR反应中延伸速度为1~2 kb/min, 产物为3'单个A粘性末端, 可用于TA克隆。

适用于常规PCR, 可以从复杂基因组DNA中扩增出长达4 kb的片段或者从λ DNA中扩增出长达5 kb的片段。

本产品包含的Buffer体系能消除引物与模板不稳定的非特异性结合, 提高了特异性和复杂模板扩增的灵敏性; 因此不适合用于简并引物的扩增。使用简并引物建议使用pfu或者Taq plus。

如需更高的PCR特异性和灵敏性, 建议使用2×Taq PCR Master Mix(PT102, 含染料; PT103, 不含染料), PT102可直接电泳。

### ● 单位定义

75°C, 30 min, 使10 nmol dNTP掺入酸不溶性沉淀物所需要的酶量定义为1个活性单位。

活性检测条件: 50mM Tris-HCl (pH 9.0, 25°C), 50mM NaCl, 5mM MgCl<sub>2</sub>, 0.2mM each dNTPs(包括[3H]-dTTP), 200 μg/ml活化的小牛胸腺DNA和0.1 mg/ml BSA。

### ● 酶储存缓冲液

100 mM KCl, 10 mM Tris-HCl (pH 7.9), 0.1 mM EDTA, 1 mM DTT, 0.5% Tween 20, 0.5% NP-40, 0.4%BSA和 50%(v/v) 甘油。

### ● 10×Taq Buffer

优化的PCR Buffer使PCR具有更高的灵敏度和特异性, 使用标准PCR反应体系无需调节Mg<sup>2+</sup>浓度。标准PCR反应体系Mg<sup>2+</sup>为1.5 mM; dNTP总浓度为0.8 mM, 能整合等摩尔Mg<sup>2+</sup>; 游离Mg<sup>2+</sup>为0.7 mM。如果调整dNTP浓度需同时调整Mg<sup>2+</sup>浓度, 使游离Mg<sup>2+</sup>为0.7 mM。

10×Taq Buffer含KCl, (NH<sub>4</sub>)<sub>2</sub>SO<sub>4</sub>, 15mM MgCl<sub>2</sub>, Tris-HCl, pH 8.3(25°C), 0.5% Tween 20, 0.5% NP40和常规PCR增强剂。

### ● 质量控制

SDS-PAGE检测纯度大于99%; 经检测无外源核酸酶活性, PCR方法检测无宿主DNA和表达载体DNA残留, 能有效扩增人类基因组中的单拷贝基因。

### ● 使用方法

#### PCR体积

最大PCR体积不能超过变温金属模块上横截面, 比如常见的PCR仪和0.2 ml PCR管最大体积为80 μl。

最佳PCR体积与PCR仪和PCR管有关。为保证PCR过程有效升降温, PCR体积应尽可能缩小, 但同时需要考虑高温过程水分蒸发的问题, 常见的PCR仪和0.2 ml PCR管最佳体积为25-50 μl。

#### 1. PCR成分准备

将10×Taq Buffer, dNTPs, 模板DNA和引物室温解冻后置于冰上。PCR各成分解冻后需充分混合均匀, 切忌局部融化后吸取表层冷凝水。

10×Taq Buffer如果出现不溶物, 37-70°C加热溶解混合均匀后使用。

#### 2. PCR反应液配制(以50 μl PCR体系为例)

在冰上将以下各成分加入PCR反应管:

|                    |          |
|--------------------|----------|
| 模板DNA              | *        |
| Primer1 (10 μM)    | 1 μl     |
| Primer2 (10 μM)    | 1 μl     |
| dNTPs (10 mM each) | 1 μl     |
| 10×Taq Buffer      | 5 μl     |
| Taq DNA Polymerase | 1 μl     |
| dH <sub>2</sub> O  | 补充至50 μl |

\*请参考●PCR体系成分△模板DNA用量。

注意: 尽可能使用合适精度的加样器, 并且避免加样体积小于1 μl(可按适当比例稀释后加样)。为保证样品之间的均一性, 能预混的成分尽可能预混后分装。

3. 手指轻弹PCR反应管充分混匀, 简短离心。

#### 4. PCR反应循环设置举例(具体请参考●PCR参数设置)

|        |         |              |                |
|--------|---------|--------------|----------------|
| 预变性    | 95°C    | 10sec-15 min | } 10-40 cycles |
| 变性     | 94°C    | 10-30 sec    |                |
| 退火     | 40-78°C | 10-30 sec    |                |
| 延伸     | 68-78°C | 10sec-5 min  |                |
| 72°C   | 5 min   |              |                |
| 4-10°C | soak    |              |                |

### ● PCR体系成分

#### △模板DNA的纯度

很多残留的核酸提取试剂会影响PCR反应, 包括蛋白酶、蛋白变性剂(比如SDS、胍盐、苯酚)、高浓度盐(KAc、NaAc、辛酸钠等)和高浓度EDTA等。这些杂质可通过乙醇或异丙醇沉淀后用66-70%乙醇洗涤两次去除, 大部分商品化的核酸纯化试剂盒可有效去除这些杂质。

磷酸盐能整合Mg<sup>2+</sup>, DNA提取和纯化过程中很难彻底去除, 因此不推荐使用PBS等磷酸盐缓冲液作为模板DNA提取试剂。

来源于样品的难以去除的PCR抑制剂, 包括肝素、腐植酸、植物酸性多糖等, 应使用合适的提取和纯化方法。

高纯度、高浓度的DNA作为PCR模板是最理想的。高浓度DNA可通过稀释减少干扰PCR的成分。

cDNA作为模板时, 应考虑模板中高浓度盐离子(尤其是缓冲体系和游离Mg<sup>2+</sup>), 一般不超过PCR体积的10%。

#### 关于模板DNA溶解或者洗脱使用去离子水或者TE:

去离子水为弱酸性, 不利于DNA的洗脱, 也不利于DNA的稳定保存。

TE常见的组成成分为:10 mM Tris, pH 8.0(25°C), 0.1 mM EDTA, 有利于DNA的长期稳定保存, 其中EDTA能整合Mg<sup>2+</sup>, 通常模板用量不超过PCR体积的20%, 不用考虑EDTA对PCR的干扰。如果模板用量占PCR体积比例较大, 建议将TE稀释10倍后溶解或者洗脱DNA。

#### △模板DNA用量

为保证反应的效率和特异性, 模板DNA终浓度应小于10 ng/μl。引物与模板DNA(尤其是低拷贝模板)有很多非特异性结合位点, 不一定会产生非特异性扩增产物, 但在PCR初期会大量消耗引物, 因此降低PCR效率。

PCR产物作为模板, 包括二次PCR和重叠PCR, 不存在引物与模板的非特异性结合大量消耗有效引物的情况, 因此PCR效率非常高, 需大比例稀释后作为模板, 并且需要严格控制循环数。

极微量的样品可以作为PCR模板, 但为了保证反应

的灵敏性, 25 μl体系使用10<sup>4</sup>拷贝的靶序列作为模板; 可参考表1计算需加入PCR体系的模板量。

表1: 1 μg各种来源的DNA对应的摩尔数

| 1 μg DNA       | mol                   |
|----------------|-----------------------|
| 1 kb线性双链DNA    | 9.18×10 <sup>11</sup> |
| 3 kb质粒DNA      | 2.9×10 <sup>10</sup>  |
| Lambda (λ) DNA | 1.9×10 <sup>10</sup>  |
| E.coli基因组DNA   | 2.0×10 <sup>8</sup>   |
| 人类基因组DNA       | 3.0×10 <sup>5</sup>   |

例如: 纯化的人类基因组DNA浓度为1 μg/μl, 某基因在人类基因组中拷贝数为10, 其单位体积拷贝数为:

$$3.0 \times 10^5 \text{ mol}/\mu\text{g} \times 1 \mu\text{g}/\mu\text{l} \times 10 \text{ copy}/\text{mol} = 3.0 \times 10^6 \text{ copy}/\mu\text{l}$$

$$1 \times 10^4 \text{ copy}/(3.0 \times 10^6 \text{ copy}/\mu\text{l}) = 1/300 \mu\text{l}$$

即: 1/300 μl浓度为1 μg/μl的人类基因组DNA(3.3 ng)中含10<sup>4</sup>拷贝该基因, 稀释300倍后加1 μl至25 μl PCR体系。

表2: 25 μl PCR体系特定模板用量

| 特定模板  | 25μl PCR体系用量              |
|-------|---------------------------|
| cDNA  | <2.5 μl (<10%PCR体系体积)     |
| PCR产物 | 用TE # 稀释100~10000倍后, 1 μl |
| 菌液    | 直接使用1 μl菌液                |
| 菌落    | 枪头接触菌落, 在PCR管中吹打数次        |

#### △引物浓度

一般每条引物配制的浓度为10 μM(50×), 工作浓度为0.2 μM。引物过量可能会出现非特异性扩增, 引物过少可能会降低扩增效率。

#### △dNTPs

dNTPs应少量分装, 减少反复冻融。需特别注意dCTP会缓慢水解为dUTP, 后者是pfu酶的抑制剂。dNTPs反复冻融和过多循环数(高温条件)都会加剧dCTP水解。

常规PCR中dNTPs使用终浓度为0.2 mM(each), 浓度过低会减少PCR产物的产量; 浓度过高会因dNTP上的磷酸根整合Mg<sup>2+</sup>降低游离Mg<sup>2+</sup>浓度而抑制PCR, 如需调整dNTPs浓度, 需同时调整Mg<sup>2+</sup>, 使游离Mg<sup>2+</sup>为0.7 mM。

### ● PCR参数设置

#### △预变性

通常预变性温度为95°C, 预变性时间请参考下表:

表3: 各种模板建议使用的预变性时间

| 模板种类           | 预变性时间     |
|----------------|-----------|
| 直接PCR(比如菌液、毛囊) | 10-15 min |
| 超螺旋质粒DNA       | 5-10 min  |
| 基因组DNA         | 3-5 min   |
| cDNA或者PCR产物    | 10秒       |

变性温度过高或时间过长会造成模板DNA的断裂和水解，降低PCR效率。

### △退火温度：PCR的关键参数

初次使用一对引物时可尝试低于Tm 5°C作为退火温度(如果两条引物Tm不同，参考较低的Tm)。

使用oligo软件计算引物的Td值，以低于Td值4°C作为退火温度。Td值的计算方法考虑了引物邻近碱基组成和引物3'末端与模板配对的稳定性，因此更具有参考意义。

退火温度偏高不利于引物与模板的结合，会降低PCR效率。退火温度偏低，会增加引物之间、引物与模板的非特异性结合，降低了引物与模板特异性结合的概率，从而降低了PCR效率，最不利的情况是产生大量引物二聚体和非特异性扩增。

最佳退火温度需要进行梯度PCR确定。

如果最佳退火温度为68°C-78°C，可以省略延伸步骤，即合并退火和延伸步骤。

### △延伸

延伸温度通常为72°C，延伸时间以1 kb/min计算，时间过长可能会增加非特异性扩增。延伸时间过短，相对有利于引物二聚体的扩增。

循环结束后，继续延伸5~10 min，以获得完整的双链产物。

### △循环数：非常重要的PCR参数，切勿盲目引用文献参数

循环数过多可能会减少目的产物。PCR过程中不完全延伸和高温断裂，会缓慢积累随机3'末端。产生大量PCR产物后，引物被大量消耗，PCR产物3'末端和随机3'末端与变性模板的非特异性结合相对占优势，出现了随机扩增；dNTP大量消耗导致游离Mg<sup>2+</sup>浓度增高，也加剧了随机扩增。随机扩增产物电泳为涂抹带，随着循环数的增加随机扩增产物长度会不断延长，甚至电泳时积累在加样孔，而目的PCR产物会逐渐减少，甚至消失。

循环数过多会产生大量气溶胶，可能会污染同次PCR其他反应管，造成假阳性。例如单独做空白对照无目的产物，而与阳性样品平行PCR时，空白对照出现了目的产物。

**莱枫PCR系列产品PCR效率通常会高于其他公司同类产品，应特别注意控制循环数，建议参考表4使用合适的循环数。**

最佳循环数与模板DNA种类、拷贝数、纯度和加样量，退火温度，PCR试剂等各种因素有关。

摸索最佳循环数：配制大体积PCR体系，分装到3-5个PCR反应管，使用较低的循环数取出一管(例如，PCR产物为模板进行10个循环)，预变性时间设为10秒，再进行3-5个循环，以此类推，最后平行电泳。

表4：各种模板建议使用的循环数

| 模板种类            | 循环数   |
|-----------------|-------|
| 1. PCR产物        | 10-20 |
| 2. 质粒DNA        | 15-25 |
| 3. 菌液、菌落PCR克隆鉴定 | 20-25 |
| 4. 高拷贝模板        | 15-20 |
| 5. 多拷贝模板        | 15-25 |
| 6. 低拷贝模板        | 25-35 |
| 7. 痕量模板         | 30-40 |

1. PCR产物：二次PCR或者重叠PCR。
2. 质粒DNA：通用引物建议使用15-25个循环，如扩增高GC区需增加循环数。
3. 菌液、菌落：通用引物建议使用20-25个循环。
4. 高拷贝模板：基因组上高度重复序列，几百-几百万个拷贝，例如真核生物rRNA和某些tRNA基因。
5. 多拷贝模板：基因组上轻度和中度重复序列，例如真核生物actin、gloubin等内参基因，原核生物rRNA和某些tRNA基因；高丰度mRNA逆转录产物，例如actin、gloubin等内参基因。
6. 低拷贝模板：基因组上单一序列，大部分功能基因为单拷贝。低丰度mRNA逆转录产物。
7. 痕量模板：模板总量为ng级或更低；因断裂或降解导致有效模板量少，比如血浆游离DNA、石蜡包埋组织中单拷贝基因。

## ●提高PCR特异性的方法

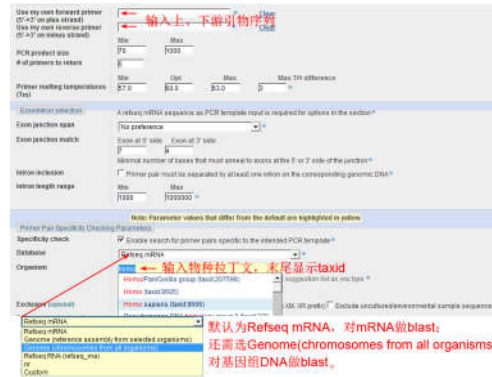
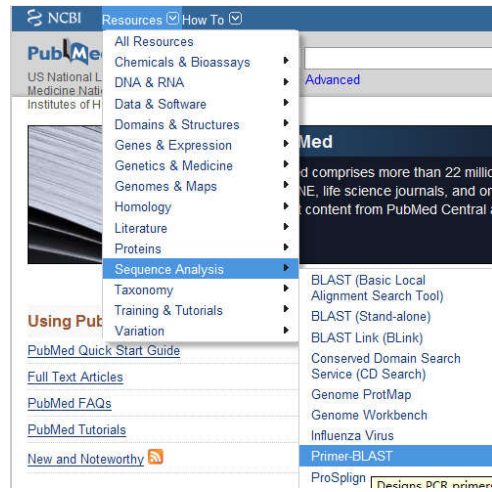
### △使用适量的模板DNA

模板量偏多或者偏少都可能产生非特异性扩增，请参考●PCR体系成分△模板DNA用量。

### △Blast

对引物进行Blast验证是非常有必要的，有时候非特异性扩增是因为引物设计不合理造成的。

cDNA除了对mRNA Blast之外，还需要对Gemome做Blast，没有任何RNA提取和纯化方法能彻底去除DNA，非特异性扩增也可能是来自基因组DNA。



### △递减PCR(Touch Down PCR)

PCR起始的几个循环使用严紧的退火条件。虽然扩增效率低，但靶序列特异性最高，被优先扩增，其产物在后续循环中继续占优势，从而提高特异性。

退火温度从高于Tm(或者Td) 5°C开始，每个循环递减，直到低于Tm(或者Td) 5°C；一般用10个循环，每个循环降低1°C。之后用低于Tm(或者Td) 5°C作为退火温度，再进行15-25个循环。

### △巢式PCR(Nested PCR)

用两对引物进行两次PCR。第一对引物(外引物)从多个靶位点扩增产生特异性和非特异性产物。第二对引物(巢式引物)位于第一对引物内侧，只能与第一次PCR产生的特异性产物互补(因为同时能与两对引物互补的非特异序列极少)。即：第一次PCR产生的特异性产物在第二次PCR中占绝对优势被扩增。

## ●常规PCR污染和防治

### 1. 气溶胶污染

PCR过程中会产生气溶胶，即PCR产物从PCR管中蒸发污染同次PCR的其他反应管、PCR仪和局部空间。如果PCR仪盖热效果差、PCR管盖子密封性差或者PCR管在高温时变形，气溶胶污染会更严重。

使用合适的循环数能避免同次PCR产生的气溶胶污染其他反应管，例如某些高拷贝模板使用20个循环目的产物已经足够多，空白对照和阴性样品未出现目的产物，而使用30个循环目的产物的量没有明显的变化或者反而减少，而空白对照和阴性样品出现目的产物(假阳性)。

使用同一种引物在同一台PCR仪连续进行PCR，上一次PCR残留的气溶胶容易污染下一次PCR样品。高温条件下DNA会断裂和水解，以此可以消除PCR仪内气溶胶污染；使用不同的引物交叉进行PCR，或将PCR仪空运行95-100°C半小时，再进行PCR。

吸取PCR产物的移液器中有大量气溶胶污染，因此配制PCR体系与PCR产物电泳需分别使用专用的移液器。气溶胶也可能存在于PCR仪周围或电泳槽附近，因此尽可能将PCR样品准备场所远离PCR仪和电泳槽。

吸取PCR产物的移液器中有大量气溶胶污染，因此配制PCR体系与PCR产物电泳需分别使用专用的移液器。气溶胶也可能存在于PCR仪周围或电泳槽附近，因此尽可能将PCR样品准备场所远离PCR仪和电泳槽。

### 2. 不良操作习惯造成的污染

应特别注意离心管开盖和使用枪头吸取样品或者试剂时造成的污染，左图为1.5 ml普通离心管，箭头所指处为可能的污染源。

使用螺口冻存管能避免离心管盖子上的污染；使用加长的10-20 μl枪头能避免移液器带来的污染。

### 3. 加样器、实验器材和容器等去除污染的方法

A. 1%盐酸或者次氯酸浸泡半小时以上，尤其是次氯酸的氧化性也会使DNA断裂。适合处理手术剪、刀片、玻璃和塑料容器等。

原理：DNA在酸性环境中水解、脱嘌呤

B. 湿热高压。移液器和塑料器材需询问厂家能否高压。酒精灯炙烤。适合处理手术剪和刀片。

原理：DNA在高温条件下水解、断裂

C. 紫外照射。去除DNA污染不彻底，但适合处理房间或者操作台等空间场所。

原理：紫外照射下DNA形成嘧啶二聚体

